


СВЕДЕНИЯ

об официальном оппоненте по диссертации Пахаруковой Марии Юрьевны на тему «Структурно-функциональная организация системы метаболизма ксенобиотиков у возбудителя описторхоза *Opisthorchis felineus* (Rivolta, 1884)», представленной на соискание ученой степени доктора биологических наук по специальности 03.01.03 – молекулярная биология

NN п.п.	Фамилия, имя, отчество оппонента	Место основной работы, должность	Ученая степень, звание, шифр специальности	Основные работы по профилю оппонируемой диссертации	Согласие официального оппонента (подпись)
1.	Лисица Андрей Валерьевич	директор Федерального государственного бюджетного научного учреждения «Научно- исследовательский институт биомедицинской химии имени В.Н. Ореховича»	доктор биологических наук по специальности математическая биология, биоинформатик а (03.01.09), академик РАН	<p>1. Petushkova NA, Lisitsa AV. Producing a one-dimensional proteomic map for human liver cytochromes p450. <i>Methods Mol Biol.</i> 2012;909:63-82.</p> <p>2. Petushkova NA, Pyatnitskiy MA, Lisitsa AV, Larina OV, Kuznetsova GP, Skipenko OG, Karuzina II, Archakov AI. Computational approach to characterization of human liver drug-metabolizing enzymes. <i>Eur J Pharm Sci.</i> 2010 Oct 9;41(2):305-11.</p> <p>3. Lisitsa AV, Petushkova NA, Thiele H, Moshkovskii SA, Zgoda VG, Karuzina II, Chernobrovkin AL, Skipenko OG, Archakov AI. Application of slicing of one-dimensional gels with subsequent slice-by-slice mass spectrometry for the proteomic profiling of human liver cytochromes P450. <i>J Proteome Res.</i> 2010 Jan;9(1):95-103.</p> <p>4. Amelio I, Knight RA, Lisitsa A, Melino G, Antonov AV. p53MutaGene: an online tool to estimate the effect of p53 mutational status on gene regulation in cancer. <i>Cell Death Dis.</i> 2016 Mar 17;7:e2148. doi: 10.1038/cddis.2016.42.</p> <p>5. Amelio I, Lisitsa A, Knight RA, Melino G, Antonov AV. Polypharmacology of approved anticancer drugs. <i>Curr Drug Targets.</i> 2016</p> <p>6. Trifonova O, Knight RA, Lisitsa A, Melino G, Antonov AV. Exploration of individuality in drug metabolism by high-throughput metabolomics: The fast line for personalized medicine. <i>Drug Discov Today.</i> 2016 Jan;21(1):103-10. doi: 10.1016/j.drudis.2015.07.011.</p> <p>7. Amelio I, Landré V, Knight RA, Lisitsa A, Melino G, Antonov AV. Polypharmacology of small molecules targeting the ubiquitin-proteasome and ubiquitin-like systems. <i>Oncotarget.</i> 2015;6(12):9646-56</p>	

Ученый секретарь

(Карпова Е.А.)

