

ОТЗЫВ

на автореферат диссертации Богачева Владислава Викторовича
**“Молекулярно-эпидемиологические особенности распространения
ВИЧ-инфекции в Новосибирской области в 2008-2012 гг.”**,
представленной на соискание ученой степени кандидата биологических
наук по специальности 03.01.03- молекулярная биология

Работа Богачева В.В. посвящена одной из важнейших проблем молекулярной биологии и генетики, связанной с изучением распространения вирусных инфекций и генетического разнообразия вирусов. Изменчивость геномов некоторых вирусов не позволяет использовать традиционные методы для создания эффективных препаратов вакцин. Изучение механизмов изменчивости вирусов, а также секвенирование фрагментов их геномов, выделенных из крови больных в разных странах, является актуальной проблемой, важной как для фундаментальной науки, так и для прикладных исследований. Несмотря на большой прогресс в методах секвенирования нуклеиновых кислот, данных о геномах ВИЧ-1 у больных в России недостаточно – в десятки раз меньше, чем в странах, где этому направлению исследований выделяется должное финансирование.

Данная работа, посвященная молекулярно-эпидемиологическому изучению ныне циркулирующих вариантов ВИЧ-1 в России, в частности, в СФО, имеет большое значение. Данное исследование представляет собой важный этап многолетних исследований ВИЧ-1, проводимых в “Векторе”.

Диссертанту удалось собрать репрезентативный банк плазмы крови пациентов, инфицированных ВИЧ-1. С помощью современных методов молекулярного анализа удалось исследовать генетическое разнообразие клинических вариантов вируса в СФО. В результате исследования выявлен новый вариант вируса в России – рекомбинантный вирус CRF63_02A1. Кроме того, обнаружены особенности территориального распространения разных вариантов ВИЧ-1 в СФО. Особенно важен результат выявления на молекулярном уровне мутаций, приводящих к устойчивости вируса к

существующей лекарственной терапии. Среди них – специфические мутации в гене *pol* в вирусах субтипов А, В и в рекомбинантной форме CRF63_02A1. Диссертантом впервые проведен филогенетический анализ нуклеотидных последовательностей области *pol* в клинических вариантах вируса субтипов А, В, а также CRF63_02A1 и CRF02_AG.

Диссертант, используя современные методы молекулярной биологии и генетики, получил новые интересные и достоверные результаты. Работа Богачева В.В. выполнена на самом высоком методическом уровне, соответствует всем современным требованиям, и диссертант, несомненно, заслуживает присвоения ученой степени кандидата биологических наук.

Зав. лабораторией эпигенетических механизмов
регуляции экспрессии генов ИМБ РАН,
доктор биологических наук, проф.,

119991 Москва, ИМБ РАН, ул. Вавилова, 32,
т. 8-499-135-97-53, e-mail: tchurikov@eimb.ru


Н.А.Чуриков

